



Applied Article

Management methods of whiteflies that transmit plants pathogenic viruses

Arezoo Pakdel[✉], Mohammad Khanjani

Department of Plant Protection, Faculty of Agriculture, Bu-Ali Sina University, Hamedan, Iran

Received: 2023.10.31

Accepted: 2024.02.02

Pakdel, A., & Khanjani, M. (2024). Management methods of whiteflies that transmit plants pathogenic viruses. *Plant Pathology Science*, 13(1), 27-41.

Abstract

Most of the plant viruses that have recently spread in tropical, subtropical and temperate regions and have limited the production of important plant products are transmitted by whiteflies. Three important whitefly species *Bemisia tabaci*, *Trialeurodes vaporariorum* and *Trialeurodes abutiloneus* are known as carriers of most plant viruses. Plant viruses transmitted by whiteflies are in the genera: *Begomovirus*, *Crinivirus*, *Ipomovirus*, *Carlavirus*, *Torradovirus* and *Polerovirus*. Management of whiteflies is difficult because of their wide host range, high reproduction rate, large population size, and also their resistance to insecticides, but new methods of chemical, biological control and the production of resistant transgenic plants have been developed to manage them, which are described in this article.

Keywords: Bacteriocyte, *Begomovirus*, *Carlavirus*, *Ipomovirus*, *Torradovirus*

[✉] Corresponding author: a.pakdel@basu.ac.ir

مقاله کاربردی

روش‌های مدیریت سفیدبالک‌های ناقل ویروس‌های بیمارگر گیاهان

آرزو پاکدل، محمد خانجانی

گروه گیاه‌پزشکی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه بوعلی‌سینا، همدان، ایران

پذیرش: ۱۳/۱۱/۱۴۰۲

دریافت: ۰۹/۰۸/۱۴۰۲

پاکدل، آ.، خانجانی، م. (۱۴۰۲). روش‌های مدیریت سفیدبالک‌های ناقل ویروس‌های بیمارگر گیاهان. *دانش بیماری شناسی گیاهی* ۱۳ (۱)، ۴۱-۲۷.

چکیده

اغلب ویروس‌های گیاهان که اخیراً در نواحی گرمسیری، نیمه‌گرمسیری و معتدل شیوع یافته‌اند و تولید محصول‌های مهم گیاهی را محدود کرده‌اند، توسط سفیدبالک‌ها انتقال می‌یابند. سه گونه مهم سفید بالک *Bemisia tabaci*، *Trialeurodes vaporariorum* و *Trialeurodes abutiloneus* به عنوان ناقل بیشتر ویروس‌های گیاهی شناخته شده‌اند. ویروس‌های گیاهی که توسط سفید بالک‌ها انتقال می‌یابند در جنس‌های *Begomovirus*، *Crinivirus*، *Ipomovirus*، *Carlavirus*، *Torradovirus* و *Polerovirus* قرار دارند. مبارزه با سفیدبالک‌ها به دلیل اینکه دامنه میزبانی وسیع آنها، نرخ بالای تولید مثلی، اندازه جمعیت بزرگ، و همچنین مقاومت آنها به حشره‌کش‌ها مشکل است، ولی روش‌های نوین مبارزه شیمیایی، زیستی و تولید گیاهان تراریخته مقاوم برای مدیریت آنها ابداع شده‌اند، که در این مقاله شرح داده شده‌اند.

واژگان کلیدی: باکتریوسیت، *Begomovirus*، *Carlavirus*، *Ipomovirus*، *Torradovirus*

مقدمه

مهمترین بخش در چرخه آلودگی ویروس‌های گیاهی، توانایی آنها برای انتقال از یک میزبان به میزبان دیگر است. حشرات در میان ناقلین ویروس‌های گیاهی، با توانایی تغذیه از بافته‌های آوندی گیاهان عالی نقش بیشتری دارند. سفیدبالک‌ها (*Hemiptera: Aleyrodidae*) برای تغذیه از آوندهای آبکش گیاهان تخصص یافته‌اند (Nault 1997). اغلب بیماری‌های ویروسی که در سال‌های اخیر ظهور یافته‌اند توسط این حشرات انتقال می‌یابند و پراکنش جهانی ویروس‌هایی که با سفیدبالک‌ها انتقال می‌یابند در حال افزایش است (Brown & Czosnek 2002, Jones 2003). تقریباً ۱۵۰۰ گونه سفیدبالک تاکنون معرفی شده‌اند که تنها تعداد اندکی از آنها ناقل ویروس‌های گیاهی می‌باشند (Navas-Castillo et al. 2011). مهم‌ترین آنها شامل *Bemisia tabaci*، *Trialeurodes vaporariorum* و *Trialeurodes abutiloneus* می‌باشند (Fiallo-Olive et al. 2020)، از بین آنها *B. tabaci* مهم‌ترین گونه است. این سفیدبالک پلی‌فاژ و دارای

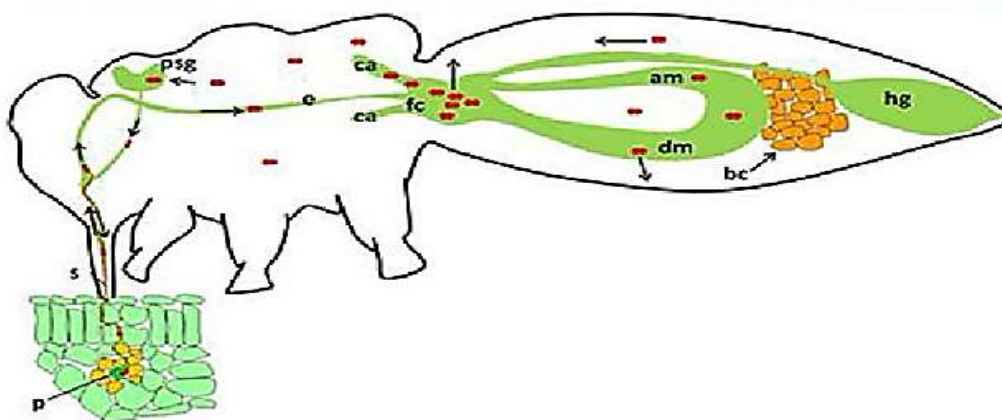
گسترش جهانی و گونه‌ای مرکب از چندین گونه پنهانی می‌باشد (Fiallo-Olive et al. 2020, Malka et al. 2018). بر اساس میزان تنوع در ژن سیتوکروم اکسیداز I میتوکندریایی (mitochondrial cytochrome oxidase I= mtCOI)، سفیدبالک *B. tabaci* به حداقل ۳۵ گونه در حدود ۱۱ گروه اصلی تقسیم شده است (Dinsdale et al. 2010). پژوهش‌های انجام شده در ایران نیز نشان دهنده تنوع سفیدبالک‌ها در ایران می‌باشد. از روش‌های RAPD-PCR، ترادف نوکلئوتیدی mtCOI و نقش ناحیه ITS1 از دی‌ان‌ای ریپوزومی برای تعیین بیوتیپ‌های سابق استفاده شده است و بیوتیپ‌های سابق B و Cv از ایران گزارش شده‌اند که بیوتیپ B بیشترین فراوانی را داشته است (Shahbazi et al. 2010, Shahbazi et al. 2014). بیش از ۳۰۰ ویروس بوسیله سفیدبالک‌ها انتقال می‌یابند (Lapidot & Polston 2010) که *B. tabaci* اغلب آنها را انتقال می‌دهد. ۹۰٪ این گونه ویروس‌ها متعلق به جنس *Begomovirus*، شش درصد به جنس *Crinivirus* و چهار درصد مربوط به جنس‌های *Ipomovirus* و *Carlavirus* می‌باشند (Jones 2003). ویروس‌های جنس *Torradovirus* در تیره *Secoviridae* نیز با سفیدبالک‌ها انتقال می‌یابند (Polston et al. 2014). غالباً رابطه ویروس-ناقل به صورت پایا (گردشی) است و هم‌تکاملی موثری بین جمعیت‌های ویروسی و ناقل وجود دارد (Brown & Czosnek 2002, Jones 2003, Navas-Castillo et al. 2011). اغلب سفیدبالک‌ها دارای یک همزیست اصلی و یک یا چند همزیست ثانویه از میان باکتری‌ها می‌باشند. همزیست‌های ثانویه به عنوان ژنوم‌های ضمیمه در سفیدبالک‌ها قلمداد شده و در سرعت تکامل، سازگاری، دامنه میزبانی و نرخ بیماری‌های قابل انتقال توسط سفیدبالک‌ها اثر گذار می‌باشند (Navas-Castillo et al. 2011).

ویروس‌های دارای ناقل سفیدبالک

۱. جنس *Begomovirus*

گونه‌های جنس بگوموویروس در تیره *Geminiviridae* توسط سفیدبالک *B. tabaci* منتقل می‌شوند (Fiallo-Olive 2020). در سال‌های اخیر بگوموویروس‌ها به عنوان یک محدودیت جدی در کشت انواع مختلف محصولهای گیاهی در مناطق مختلف جهان ظهور یافته‌اند و این ظهور مرتبط با افزایش شیوع حشره ناقل آنها می‌باشد (Navas-Castillo 2011). بیشترین مطالعه در مورد انتقال ویروس‌های گیاهی توسط سفیدبالک در مورد اعضای این جنس و بویژه در مورد بیماری پیچیدگی برگ زرد گوجه‌فرنگی انجام شده است (Navas-Castillo et al. 2011, Gottlieb et al. 2006). بگوموویروس‌ها توسط ناقل با رابطه پایا منتقل می‌شوند، البته شواهدی در مورد تکثیر شدن *Tomato yellow leaf curl virus* (TYLCV) در *B. tabaci* وجود دارد (Becker et al. 2015). اما بعضی پژوهش‌ها نیز نشان داده‌اند که این ویروس در ناقل خود تکثیر نمی‌شود (Sánchez-Campos et al. 2016) مسیر دیگر برای کسب برخی بگوموویروس‌ها توسط سفیدبالک

علاوه بر کسب ویروس در حین تغذیه، انتقال از طریق جفتگیری می‌باشد (Navas-Castillo et al. 2011, Gottlieb et al. 2006). این ویروس‌ها در استایلت، سر، معده میانی، همولنف و غدد بزاقی حشره ناقل ردیابی شده‌اند (شکل ۱). بگوموویروس‌ها در فیلتر چمبر تجمع یافته و بیشترین مقدار ویروس وارد همولنف می‌شود و در بزاق، عسلک و همولنف قابل ردیابی می‌باشند. موانع اصلی از معده به همولنف و همولنف به غدد بزاقی وجود دارد (Czosnek 2007, Czosnek et al. 2002). عبور از این موانع یک فرایند فعال است و پس از تشخیص پروتئین پوششی (CP) توسط گیرنده‌های درون میکروویلی و حمل و نقل پیکره‌ها درون وزیکل‌های پوشش‌دار رخ می‌دهد (Czosnek 2007, Czosnek et al. 2002). انتقال گردشی بگوموویروس‌ها با سفیدبالک شامل شریک سوم یعنی باکتریهای همزیست نیز می‌باشد. CP بگوموویروس با پروتئین‌های همولوگ GroEL، تولیدی باکتریهای درونی همزیست هم‌کنش می‌نماید و این هم‌کنش از تخریب پیکره‌های ویروسی در همولنف ناقل ممانعت می‌نماید (Akad et al. 2004). در واقع این هم‌کنش با پروتئین پوششی ویروس دارای شارژ مثبت بالا و دارای نواحی غنی از آرژنین انجام می‌شود (Akad et al. 2004). سن و جنس سفیدبالک در کارایی انتقال بگوموویروس‌ها تأثیر گذار است (Hogenhout et al. 2008, Skaljic & Ghanim 2010). علاوه بر آن بگوموویروس‌ها در میزان باروری و طول عمر ناقل سفید بالک *B. tabaci*



شکل ۱. تصویر شماتیک از آناتومی داخلی *B. tabaci* و مسیر اکتساب، گردش و انتقال ویروس پیچ خوردگی زرد برگ گوجه‌فرنگی (Tomato yellow leaf curl virus, TYLCV) (فلش). قسمت‌های قرمز: ذرات ویروس، p: آبکش، s: stylet، e: مری، fc: محفظه فیلتر، ca: caeca، dm: روده نزولی، am: روده صعودی، bc: باکتریوسیت‌ها، hg: روده عقبی، psg: غده بزاقی اولیه (Kliot et al. 2014).

Figure 1. Schematic picture of *B. tabaci* internal anatomy and acquisition, circulation, and transmission pathway of tomato yellow leaf curl virus (TYLCV) (arrows). Red parts: virus particles, p: phloem, s: stylet, e: esophagus, fc: filter chamber, ca: caeca, dm: descending midgut, am: ascending midgut, bc: bacteriocytes, hg: hindgut, psg: primary salivary gland (Kliot et al. 2014).

اثرگذار می‌باشند (Bosco et al. 2004, Guo et al. 2010). بطور کلی تروپیک سم اختصا صی بافتی ناقل، مرزهای غشایی، مولکولهای شبه گیرنده در ناقل و مکانیسم های اندوسیتوز و آگزوسیتوز، حفاظت از پیکره ها هنگام عبور از همولنف و غدد بزاقی توسط شاپرون های محلول یا مولکول های کمکی در همولنف برای انتقال موفق ضروری هستند (Caciagli et al. 2009, Diazi-Pendon et al. 2010). پژوهشها نشان داده اند که پروتیین BtHsp16 از خانواده SHsp که به عنوان شاپرون عمل می کند با پروتیین پوششی برخی بگوموویروس ها هم کنش دارد (Akad et al. 2004, Caciagli et al. 2009). پروتیین مذکور مانع از تجمع پیکره های ویروسی در همولنف و ارگان های گوارشی حشره ناقل گردیده و با ایجاد یک شبکه شاپرونی، از پیکره های ویروس محافظت می نماید (Akad et al. 2004, Caciagli et al. 2009). از طرفی گزارش شده است که هم کنش پروتیین پوششی و پروتیین BtHsp16 موجب تغییر در ساختار لیپیدهای غشایی و تسهیل عبور پیکره های ویروسی از غشاهای درگیر در انتقال گردشی در حشره ناقل می گردد (Caciagli et al. 2009, Diazi-Pendon et al. 2010, Ghanim et al. 2001, Ghanim et al. 2009).

۲. جنس *Crinivirus*

این جنس در تیره *Closteroviridae* قرار دارد و توسط چندین گونه از سفیدبالک های دو جنس *Bemisia* و *Trialeurodes* با رابطه نیمه پایا انتقال می یابند (Brown & Czosnek 2002, Navas-Castillo et al. 2011). ویروس زردی عفونی کاهو (*Lettuce infectious yellow virus*) و ویروس تیپ این جنس است و بیشتر مورد مطالعه قرار گرفته است (Jones 2003). عضو دیگر این جنس *Tomato chlorosis virus* (ToCV) است و توسط سفیدبالک های *T. abutiloneus*, *T. vaporariorum* و *B. tabaci* منتقل می شود (Brown & Czosnek 2002, Navas-Castillo et al. 2011). توانایی انتقال با چهار ناقل سفید بالک متعلق به دو جنس مختلف منحصر بفرد بوده و این ویژگی در ویروس هایی که با سفیدبالک منتقل می شوند بسیار غیر معمول است (Brown & Czosnek 2002, Navas-Castillo et al. 2011). بنابراین شیوع گونه های مختلف سفیدبالک به طور قابل توجهی بر وقوع این ویروس ها اثر می گذارد. در اعضای این جنس پروتیین CPM کد شده توسط ویروس در انتقال اختصاصی بواسطه سفیدبالک ضروری است (Brown & Czosnek 2011, Navas-Castillo et al. 2002). پژوهشی نشان داده که در خصوصیات انتقال، کرینی ویروس ها کامل کننده یکدیگر می باشند و بنابراین فاکتورهای متعددی از قبیل کارایی انتقال، تیترو ویروس در میزبان، رقابت و هم کنش بین ویروس ها در طی آلودگی توام، در ظهور آنها موثر است (Wintermantel 2010).

۳. جنس *Ipomovirus*

ویروس های این جنس به تیره *Potyviridae* تعلق دارند و توسط سفید بالک ها به شیوه ناپایا یا نیمه پایا انتقال می یابند (Blanc et al. 2011, Hohn 2007). پروتیین کمکی ویروسی (helper component, HC) دارای موتیف های (پپتیدهای کوتاهی که برهم کنش پروتیینها را تسهیل می کنند = Motifs) بسیار حفاظت

شده در تیره پوتی‌ویریده می‌باشد و برای اتصال پیکره به زوائد دهانی حشره ناقل ضروری است. در مورد ویروس زردی رگبرگ کدو (Squash vein yellowing virus, SqVYV) موتیف DAG در CP آن مشاهده شده است (Ziegler-Graff & Brault 2007). این موتیف در پوتی‌ویروس‌ها بسیار حفاظت شده است و شامل سه اسید آمینه آسپارتیک اسید- آلانین- گلیسین می‌باشد که در انتهای آمینی (CP (N- terminus) قرار دارند و در انتقال ویروس توسط ناقل نقش دارند (Atreya et al 1995). پژوهشها در مورد انتقال ویروس‌های غیر گردشی توسط سفیدبالک‌ها کمتر انجام شده است ولی احتمالاً سازوکار آنها با انتقال ویروسها توسط شته‌ها همخوانی دارد (Adkins et al. 2006, Navas-Castillo et al. 2011, Ng & Falk 2006, Simmons et al. 2009). در ویروس موزائیک کلم گل (Cauliflower mosaic virus) موقعیت دقیق اتصال ویروس در انتهای Maxillary استایلت شته ناقل گزارش شده است. ویروس‌های غیر گردشی از استایلت ناقل آزاد شده و در طی فاز بزاقی مایه‌زنی می‌شوند. در شته‌ها تعداد زیادی پروتیین بزاقی در آزادسازی ویروس‌های غیر گردشی از استایلت نقش دارند (Blanc et al. 2011, Hohn 2007).

۴. جنس *Carlavirus*

این جنس متعلق به تیره *Betaflexiviridae* است (Navas-Castillo et al. 2011, Jones 2003). اکثر اعضای این جنس با شته انتقال می‌یابند و تعداد اندکی از آنها از جمله *cassava brown streak virus* و *cowpea mild mottle virus* و *melon yellowing associated virus* بوسیله سفیدبالک *B. tabaci* با رفتار نیمه پایا منتقل می‌شوند و برای انتقال توسط ناقل به CP و HC کد شده توسط ویروس نیازمندند (Brown & Czosnek 2002, Navas-Castillo et al. 2011, Jones 2003).

۵. جنس *Torradovirus*

سه ویروس گیاهی *tomato torrado virus*، *tomato marchitez virus* و *tomato apical necrosis virus* در جنس *Torradovirus* در تیره *Secoviridae* قرار گرفته‌اند. این ویروس‌ها توسط *B. tabaci* و *T. vaporariorum* منتقل می‌شوند (Turina et al. 2007, Verbeek et al. 2007). اما اطلاعاتی در مورد مدل انتقال آنها در دسترس نمی‌باشد (Navas-Castillo et al. 2011). این ویروس‌ها احتمالاً در مناطق مختلف جهان انتشار دارند ولی هنوز شناسایی نشده‌اند. مسلماً انتشار سریع این ویروس‌ها به دلیل انتقال با سفیدبالک رخ می‌دهد (Navas-Castillo et al. 2011, Turina et al. 2007, Verbeek et al. 2007).

۶. جنس *Polerovirus*

این جنس متعلق به تیره *Solemoviridae* است (ICTV 2021). ویروس‌های این جنس اغلب توسط شته‌ها منتقل می‌شوند اما مشخص شده است که *pepper whitefly-borne vein yellows virus* از این جنس استثناً بوده و توسط سفیدبالک *B. tabaci* منتقل می‌شود (Ghosh et al. 2019).

دلیل ظهور بیشتر بیماری‌های ویروسی با ناقل سفید بالک

پدیدار شدن بیماری ویروسی به دلیل انتشار ویروس‌های موجود به مکان جغرافیایی جدید، توانایی آلودگی یک میزبان جدید و یا در نتیجه ظهور گونه‌های ویروسی جدید رخ می‌دهد (Lapidot & Polston 1998, Wisler et al. 2010). فاکتورهای زیادی از قبیل تغییرات ژنتیکی در ژنوم ویروس در اثر جهش یا نوترکیبی، انتقال مواد گیاهی یا حشره ناقل به فواصل دور در نتیجه تجارت محصولهای کشاورزی و یا تغییرات در جمعیت‌های ناقلین در ظهور بیماری‌های ویروسی نقش دارند. تغییر در جمعیت ناقل بدلیل تغییر شرایط محیطی مثل تغییرات آب و هوایی یا فعالیت‌های انسانی رخ می‌دهد (Lapidot & Polston 1998, Wisler et al. 2010). خصوصیات جمعیت حشره ناقل مانند گونه‌های موجود فاکتوری کلیدی در ظهور و توسعه بیماری‌های ویروسی می‌باشد. آلودگی‌های مخلوط بگوموویروس‌ها در علف‌های هرز موجب ایجاد یک مکان برای تولید ویروس‌های جدید از طریق نوترکیبی شده است (Blanc et al. 2011, Navas-Castillo et al. 2011).

روش‌های نوین مدیریت سفیدبالک‌های ناقل ویروس‌های گیاهان

مبارزه با سفیدبالک‌ها به دلیل اینکه دامنه میزبانی وسیع آنها، نرخ بالای تولید مثلی، اندازه جمعیت بزرگ، و همچنین مقاومت آنها به حشره‌کش‌ها مشکل است (Naranjo 2001). بنابراین از روش‌های متفاوتی جهت مبارزه با سفیدبالک‌ها استفاده شده است.

۱. **مبارزه شیمیایی:** یکی از روش‌ها استفاده از روغن‌ها در مبارزه با سفیدبالک‌ها می‌باشد (Javadi khedri et al. 2019). مبارزه شیمیایی حشرات بالغ سفیدبالک گلخانه (*T. vaporariorum*) با استفاده از روغن‌های سیتووت، چریش یا ولک با دلتامترین توصیه شده است. در همین حال، کنترل پوره‌های این حشره با استفاده از مخلوط روغن‌های مذکور به همراه بیروفرزین در قالب مدیریت تلفیقی اثر بخش بوده است (Hosseininia et al. 2017). نسل جدید حشره‌کش‌ها (مانند پیمتروزین) برای مبارزه با سفیدبالک‌ها ابداع شده‌اند (Polston & Sherwood 2003). پیمتروزین با جلوگیری از نفوذ استایلت در بافت گیاه، از تغذیه سفیدبالک‌ها جلوگیری کرده در نتیجه مرحله کسب ویروس از منبع آلودگی مختل شده و در نهایت پس از چند روز باعث مرگ سفیدبالک‌ها می‌شود. این حشره‌کش هیچ گونه اثر سوء بر گیاه ندارد (Polston & Sherwood 2003).

۲. **مبارزه زیستی:** مشکلات ایجاد شده مرتبط با حشره‌کش‌های مورد استفاده در کشاورزی موجب توجه به کشف عوامل کنترل بیولوژیک برای مدیریت آفات حشره‌ای شده است. نتایج تحقیقات نشان داده است که می‌توان از کنه شکارگر (*Amblyseius swirskii* Acari: *Phytoseiidae*) در برنامه‌های کنترل تلفیقی سفیدبالک *B. tabaci* در گلخانه‌های فلفل دلمه‌ای استفاده نمود (Calvo et al. 2012). این شکارگر به طور موثری *B. tabaci* و *Frankliniella occidentalis* را در گلخانه‌های خیار کنترل نموده است (Calvo et al.).

همچنین مشخص شده است که این کنه شکارگر توانایی قابل ملاحظه‌ای در کنترل بیولوژیک سفیدبالک *T. vaporariorum* در گلخانه دارد (Hosseini et al. 2020). استفاده از این کنه شکارگر در کنترل بیولوژیکی تریپس و سفیدبالک در گلخانه توت فرنگی نیز موفقیت‌آمیز بوده است و در مقایسه با این کنه شکارگر، کنه *Amblydromalus limonicus* عملکرد بهتری در کنترل سفیدبالک در گلخانه‌های توت فرنگی داشته است (Hoogerbrugge et al. 2011).

روش دیگر برای مبارزه با *B. tabaci* که نیاز به استفاده از حشره‌کش‌ها را کاهش می‌دهد استفاده از پارازیتوئید *Eretmocerus mundus* می‌باشد (Shahbazi et al 2013, Zandi-sohani et al. 2009). از طرف دیگر، ترکیبات ترپنی ارگانیک فرار آزاد شده بوسیله گیاهان نقش مهمی در توانایی سفیدبالک در تشخیص گیاه میزبان از فواصل و همچنین در جذب شکارگرها و پارازیتوئیدها دارند (Bleeker et al. 2009).

روابط همزیستی با باکتریها در بندپایان معمول است و این هم‌کنش‌ها اساساً روی زندگی هر دو شریک اثرگذار است (Gottlieb et al. 2008). همه سفیدبالک‌ها دارای یک همزیست اجباری اصلی (Primary endosymbiont) مانند (*Portiera aleyrodidarum*) و یک یا چند همزیست ثانویه (Secondary endosymbiont) می‌باشند. آلودگی همزمان با چند همزیست ثانویه معمول‌تر است. ژنوم همزیستهای ثانویه نسبت به همزیست اصلی دارای دینامیک بالاتری می‌باشند (Gottlieb et al. 2008, Chiel et al. 2007). این باکتریها در درون سلول‌های تخصص یافته به نام باکتریوسیت‌ها قرار دارند (Gottlieb et al. 2008). در سفیدبالک‌ها الگوی منحصر بفردی در مورد باکتریوسیت‌ها دیده می‌شود. بدین صورت که جایگاه همزیست های ثانویه و اولیه توأم می‌باشند یعنی در یک سلول مشابه قرار دارند. این اکوسیستم مشترک درون سلولی پایدار است و از مادر به نتاج به ارث می‌رسد و فرصتهای بیشتری را برای هم‌کنش بین همزیست‌ها فراهم می‌کند. از طرفی این اکوسیستم مشترک امکان دستکاری و توسعه روش‌های مدیریتی را با استفاده از تنوع باکتریهای همزیست مهیا می‌سازد (Gottlieb et al. 2008, Chiel et al. 2007). به عنوان مثال ایجاد حشرات پاراتراژن (Paratransgene) حاوی باکتریهای همزیست ثانویه با توانایی بیان مواد ضد ویروس در پاتوژنهای انسانی دارای ناقل حشره‌ای انجام شده است. این همزیست‌ها بطور مستقیم در انتقال ویروس‌ها توسط سفیدبالک نقش دارند (Brumin et al. 2011, Chiel et al. 2007, Ghanim & Kontsedalov 2009). *B. tabaci* پناهگاه باکتریهای همزیست‌های ثانویه مختلف از جنسهای *Fritschea* و *Rickettsia*, *Wolbachia*, *Cardinium*, *Arsenophonus*, *Hamiltonella* می‌باشد. در حالی که *T. vaporariorum* تنها پناهگاه *P. aleyrodidarum* می‌باشد (Gottlieb et al. 2008, Chiel et al. 2007). البته بیوتیپ‌های مختلف دارای ترکیبات همزیستی ثانویه متفاوتی می‌باشند (Chiel et al. 2007). توانایی انتقال ویروس‌ها توسط بیوتیپ‌های مختلف *B. tabaci* بر طبق ترکیب همزیست‌های ثانویه متفاوت می‌باشد و علاوه بر آن، همزیست‌ها اثرات مختلف بر بیولوژی، دامنه میزبانی، ایجاد مقاومت به حشره‌کش‌ها

و پارازیتوئیدها، تمایز جمعیتی و تحمل استرس‌های محیطی در سفیدبالک‌ها می‌گذارند (Brumin et al. 2006, Gottlieb et al. 2011). این باکتریها تولید شاپرون‌های (chaperon) مولکولی می‌کنند که به عنوان پروتیین همولوگ GroEL شناخته می‌شوند. همولوگ‌های پروتیین GroEL همزیست‌های مختلف موجب تفاوت در کارایی انتقال ویروس در *B. tabaci* می‌گردند (Ghanim & Kontsedalov 2009, Gottlieb et al. 2008). البته ترکیب همزیست‌های ثانویه موجود در سفیدبالک *B. tabaci* در حساسیت به تمام عوامل ذکر شده تاثیر گذار می‌باشد. همزیست‌های ثانویه موجود در بدن سفیدبالک‌ها فاکتور مهمی در انتخاب گیاه میزبان است (Akad et al. 2004). یکی از روش‌های موثر و با طیف اثر وسیع، دستکاری و توسعه روش‌های مدیریتی با استفاده از تغییر و اصلاح باکتریهای همزیست سفیدبالکها بوده است که بطور مستقیم در انتقال ویروس‌ها توسط سفیدبالک‌ها نقش دارند (Chiel et al. 2007, Gottlieb et al. 2010).

۳. تولید گیاهان تراریخته مقاوم: رهیافت‌های جدید با تولید گیاهان تراژن بوسیله ترپن‌های تولیدی گیاهان بطور طبیعی ممانعت کننده سفیدبالک در انتقال ویروس و یا بیان پروتیین همولوگ GroEL آنها در آوند آبکشی گیاهان امیدبخش بوده است (Akad et al. 2004, Bleeker et al. 2009, Edelbaum et al. 2009). استفاده از خاموشی ژن در سفیدبالک‌ها نیز موفقیت‌آمیز بوده است (Ghanim et al. 2007). همچنین ساخت گیاهان تراژن حاوی dsRNA القا کننده خاموشی ژن در سفیدبالک‌ها از روش‌های نوین می‌باشد (Upadhyay et al. 2011).

نتیجه‌گیری

دهها ویروس بیماری‌گر گیاهی از جنس‌های *Carlavirus*, *Ipomovirus*, *Crinivirus*, *Begomovirus* و *Torradovirus* و *Polerovirus* توسط سفیدبالک‌ها منتقل و منتشر می‌شوند. مبارزه با سفیدبالک‌ها به دلیل اینکه دامنه میزبانی وسیع آنها، نرخ بالای تولید مثلی، اندازه جمعیت بزرگ، و همچنین مقاومت آنها به حشره‌کش‌ها مشکل است، ولی روش‌های نوین مبارزه شیمیایی، زیستی و تولید گیاهان تراریخته مقاوم برای مدیریت آنها ابداع شده‌اند.

References

1. Adkins S, Webb SE, Achor D, Roberts PD, Baker CA (2006) Identification and characterization of a novel whitefly-transmitted member of the family *Potyviridae* isolated from cucurbits in Florida. *Virology* 97:145-154.
2. Akad F, Dotan N, Czosnek H (2004) Trapping of Tomato yellow leaf curl virus (TYLCV) and other plant viruses with a GroEL homologue from the whitefly *Bemisia tabaci*. *Archives of Virology* 149: 1481–1497.

منابع

3. Andret-Link P, Fuchs M (2005) Transmission specificity of plant viruses by vectors. *Journal of Plant Pathology* 87: 153-165.
4. Atreya PL, Lopez-Moya JJ, Chu M, Atreya CD, Pirone TP (1995) Mutational analysis of the coat protein N-terminal amino acids involved in potyvirus transmission by aphids. *Journal of General Virology* 76: 265–70.
5. Becker N, Rimbaud L, Chiroleu F, Reynaud B, Thébaud G, Lett JM (2015) Rapid accumulation and low degradation: key parameters of tomato yellow leaf curl virus persistence in its insect vector *Bemisia tabaci*. *Scientific Reports* 5:17696.
6. Blanc S, Uzest M, Drucker M (2011) New research horizons in vector-transmission of plant viruses. *Current Opinion in Microbiology* 14:483–491.
7. Bleeker MP, Diergaarde PJ, Ament K, Guerra J, Weidner M, Schutz S, de Both MTJ, Haring MA, Schuurink RC (2009) The role of specific tomato volatiles in tomato-whitefly interaction. *Plant Physiology* 151: 925–935.
8. Bosco D, Mason G, Accotto GP (2004) TYLCV DNA, but not infectivity, can be transovarially inherited by the progeny of the whitefly vector *Bemisia tabaci* (*Gennadius*). *Virology* 323:276–283.
9. Brown JK, Czosnek H (2002) Whitefly transmission of plant viruses. *Advances in Botanical Research* 36:65-100.
10. Brumin M, Kontsedalov S, Ghanim M (2011) *Rickettsia* influences thermo tolerance in the whitefly *Bemisia tabaci* B biotype. *Insect Science* 18: 57–66.
11. Caciagli P, Piles VM, Marian D, Vecchiati M, Masenga V, Mason G, Falcioni T, Noris E (2009) Virion stability is important for the circulative transmission of Tomato Yellow Leaf Curl Sardinia Virus by *Bemisia tabaci*, but virion access to salivary glands does not guarantee transmissibility. *Journal of virology* 83:5784–5795.
12. Calvo FJ, Blockmans K, Belda JE (2011) Control of *Bemisia tabaci* and *Frankliniella occidentalis* in cucumber by *Amblyseius swirskii*. *BioControl* 56: 185-192.
13. Calvo FJ, Blockmans K, Belda JE (2012) Biological control-based IPM in sweet pepper greenhouses using *Amblyseius swirskii* (Acari: Phytoseiidae). *Biological Science and Technology* 22 (12): 1398-1416.
14. Chare E.R, Holmes E.C (2004) Selection pressures in the capsid genes of plant RNA viruses reflect mode of transmission. *Journal of General Virology* 85: 3149-3157.
15. Chiel E, Gottlieb Y, Fein EZ, Daube NM, Katzir N, Inbar M, Ghanim M (2007) Biotype-dependent secondary symbiont communities in sympatric populations of *Bemisia tabaci*. *Bulletin of Entomological Research* 97:407–413.
16. Czosnek H (2007) Interaction of Tomato Yellow Leaf Curl with whitefly vector Pp.157–170. In: H Czosnek (ed.). *Tomato Yellow Leaf Curl Virus Disease*. Springer.

17. Czosnek H, Ghanim M, Ghanim M (2002) The circulative pathway of begomoviruses in the whitefly vector *Bemisia tabaci*—insights from studies with Tomato yellow leaf curl virus. *Association of Applied Biologists* 140:215-231.
18. Diazzi-Pendon JA, Canizares MC, Moriones E, Bejarano ER, Czosnek H, Navas-Castillo J (2010) Tomato yellow leaf curl viruses: ménage à trois between the virus complex, the plant and the whitefly vector. *Molecular Plant Pathology* 11: 441–450.
19. Dinsdale A, Cook I, Riginos C, Buckley YM, De Barro, P (2010) Refined global analysis of *Bemisia tabaci* (Hemiptera: Sternorrhyncha: Aleyrodoidea: Aleyrodidae) mitochondrial cytochrome oxidase I to identify species level genetic boundaries. *Annals of the Entomological Society of America* 103: 196-208.
20. Edelbaum D, Gorovits R, Sasaki S, Ikegami M, Czosnek H (2009) Expressing a whitefly GroEL protein in *Nicotiana benthamiana* plants confers tolerance to tomato yellow leaf curl virus and cucumber mosaic virus, but not to grapevine virus A or tobacco mosaic virus. *Archives of Virology* 154:399–407.
21. Fiallo-Olive E, Pan LL, Liu SS, NAVAS-Castiello J (2020) Transmission of begomoviruses and other whitefly-borne viruses: dependence on the vector species. *Phytopathology* 110: 10-17.
22. Ghanim M, Brumin M, Popovski S (2009) A simple, rapid and inexpensive method for localization of Tomato yellow leaf curl virus and Potato leaf roll virus in plant and insect vectors. *Journal of Virological Methods* 159:311–314.
23. Ghanim M, Kontsedalov S (2009) Susceptibility to insecticides in the Q biotype of *Bemisia tabaci* is correlated with bacterial symbiont densities. *Pest Management Science* 65(9):939-942.
24. Ghanim M, Kontsedalov S, Czosnek H (2007) Tissue-specific gene silencing by RNA interference in the whitefly *Bemisia tabaci* (*Gennadius*). *Insect Biochemistry and Molecular Biology* 37: 732–738.
25. Ghanim M, Rosell RC, Campbell LR, Czosnek H, Brown JK, Ullman DE (2001) Digestive, salivary, and reproductive organs of *Bemisia tabaci* (*Gennadius*) (Hemiptera: Aleyrodidae) B type. *Journal of Morphology* 248:22–40.
26. Ghosh S, Kanakala S, Lebedev G, Kontsedalov S, Silverman D, Alon T, Mor N, Sela N, Luria N, Dombrovsky A, Mawassi M, Haviv S, Czosnek H, Ghanim M (2019) Transmission of a new Polerovirus infecting pepper by whitefly *Bemisia tabaci*. *Journal of Virology* 93: e00488-19.
27. Golshan R, Shishehbor P, Esfandiari M (2023) Biological characteristics, functional and numerical responses of the predatory mite *Amblyseius swirskii* (Acari: Phytoseiidae) feeding on cotton whitefly, *Bemisia tabaci* (Hemiptera: Aleyrodidae). *Journal of Entomological Society of Iran* 43 (2): 97-111.
28. Gottlieb Y, Fein ZE, Daube NM, Kontsedalov S, Skaljic M, Brumin M, Sobol I, Czosnek H, Vavre F, Fleury F, Ghanim M (2010) The transmission efficiency of Tomato

- Yellow Leaf Curl Virus by the whitefly *Bemisia tabaci* is correlated with the presence of a specific symbiotic bacterium species. *Journal of Virology* 48:9310–9317.
29. Gottlieb Y, Ghanim M, Chiel E, Gerling D, Portnoy V, Steinberg SH, Tzuri G, Horowitz AR, Belausov E, Daube NM, Kontsedalov S, Gershon M, Gal SH, Katzir N, Fein EZ (2006) Identification and localization of a *Rickettsia* sp. in *Bemisia tabaci* (Homoptera: Aleyrodidae). *Applied Environmental Microbiology* 72: 3646–3652.
 30. Gottlieb Y, Ghanim M, Gueguen G, Kontsedalov S, Vavre F, Fleury F, Fein EZ (2008) Inherited intracellular ecosystem: symbiotic bacteria share bacteriocytes in whiteflies. *FASEB Journal* 22:2591-2599.
 31. Guo JY, Ye GY, Dong ShZh, Liu ShSh (2010) An invasive whitefly feeding on a virus-infected plant increased its egg production and realized fecundity. *PLoS ONE* 5:1-8.
 32. Hogenhout SA, Ammar ED, Whitfield AE, Redinbaugh MG (2008) Insect vector interactions with persistently transmitted viruses. *Annual Review of Phytopathology* 46:327–359.
 33. Hohn TH (2007) Plant virus transmission from the insect point of view. *PNAS* 104:17905-17906.
 34. Hoogerbrugge H, van Houten Y, Knapp M, Blckmans K (2011). Biological control of thrips and whitefly on strawberries with *Amblydromalus limonicus* and *Amblyseius swirskii*. *International Organization for Biological Control* 65-69.
 35. Hosseininia A, Khanjani M, Asadi M, Soltani J (2020) Life-history of the predatory mite *Amblyseius swirskii* (Athias-Henriot) (Acari: Phytoseiidae) on *Tetranychus urticae* Koch (Acari: Tetranychidae), *Carpoglyphus lactis* Linnaeus (Acari: Carpo-glyphidae) and *Trialeurodes vaporariorum* (Westwood) (Hemiptera: Aleyrodidae). *Journal of Ornamental plants* 10 (3): 155-166.
 36. Hosseininia A, Khanjani M, Khoobdel M, Javadi khedri S (2017) Comparison of the efficiency of the current oils and insecticide compounds in control of greenhouse whitefly, *Trialeurodes vaporarium* (Westwood), (Hem: Aleyrodidae) on rose and their interaction. *Journal of Iranian Plant Protection Research* 30 (4): 718-726. (In Persian with English abstract).
 37. Hunter WB, Patte CP, Sinisterra XH, Achor DS, Funk CJ, Polston JE (2001) Discovering new insect viruses: whitefly *Iridovirus* (Homoptera: Aleyrodidae: *Bemisia tabaci*). *Journal of Invertebrate Pathology* 78: 220–225.
 38. International Committee on Taxonomy of Viruses (ICTV) 2021. Virus taxonomy: 2021 release. <https://ictv.global/taxonomy/>. Accessed March 2022
 39. Javadi khedri S, Khoobdel M, Khanjani M, Hosseininia A, Sadeghi Sorkhe Dizaji B, Hosseini SM, Sobati H (2019) Insecticidal effect of essential oils from two medicinal plants against *Aleuroclava jasmine* (Hemiptera: Aleyrodidae). *Journal of crop protection* 8(1): 57-67. (In Persian with English abstract).

40. Jones DR (2003) Plant viruses transmitted by whiteflies. *European Journal of Plant Pathology* 109: 195–219.
41. Kliot A, Kontsedalov S, Lebedev G, Brumin M, Cathrin PB, Marubayashi JM, Skaljac M, Belausov E, Czosnek H, Ghanim M (2014) Fluorescence in situ Hybridizations (FISH) for the localization of viruses and endosymbiotic bacteria in plant and insect tissues. *Journal of Visualized Experiments* e51030, doi:10.3791/51030.
42. Kontsedalov S, Fein EZ, Chiel E, Gottlieb Y, Inbar M, Ghanim M (2008) The presence of *Rickettsia* is associated with increased susceptibility of *Bemisia tabaci* (Homoptera: Aleyrodidae) to insecticides. *Pest Management Science* 64(8): 789-792.
43. Lapidot, M., and J. E. Polston. (2010). Biology and epidemiology of Bemisia-Vectored viruses, pp. 227–231. In P. A. Stansly and S. E. Naranjo (eds.), *Bemisia: bionomics and management of a global pest*. Springer, Dordrecht, The Netherlands.
44. Leshkowitz D, Gazit SH, Reuveni E, Ghanim M, Czosnek H, McKenzie C, Shatters RL, Brown JK (2006) Whitefly (*Bemisia tabaci*) genome project: analysis of sequenced clones from egg, instar, and adult (viruliferous and non viruliferous) cDNA libraries. *BMC Genomics* 7:1-19.
45. Malka O, Santos-Garcia D, Feldmesser E, Sharon E, Krause-Sakate R, Delatte H, Brunschot S, Patel M, Visendi P, Mugerwa H, Seal S, Colvin J, Morin S (2018) Species-complex diversification and host-plant associations in *Bemisia tabaci*: A plant-defense, detoxification perspective revealed by RNA-seq analyses. *Molecular Ecology* 27(21): 4241-4256.
46. Naranjo SE (2001) Conservation and evaluation of natural enemies in IPM systems for *Bemisia tabaci*. *Crop Protection* 20: 835–852.
47. Nault LR (1997) Arthropod transmission of plant viruses: A new synthesis. *Annals of the Entomological Society of America* 90:521-541.
48. Navas-Castillo JN, Olive EF, Campos FF (2011) Emerging virus diseases transmitted by whiteflies. *Annual Review of Phytopathology* 49:219–248.
49. Ng JCK, Falk BW (2006) Virus-vector interactions mediating non persistent and semi persistent transmission of plant viruses. *Annual Review of Phytopathology* 44:183–212.
50. Polston JE, DeBarro P, Boykin L (2014) Transmission specificities of plant viruses with the newly identified species of the *Bemisia tabaci* species complex. *Pest Management Science* Published online in Wiley Online Library: DOI 10.1002/ps.3738.
51. Polston JE, McGovern RJ, Brown, LG (1999) Introduction of Tomato yellow leaf curl virus in Florida and implications for the spread of this and other geminiviruses of tomato. *Plant Disease*. 83:984-988.
52. Polston JE, Sherwood T (2003) Pymetrozine interferes with transmission of Tomato Yellow Leaf Curl Virus by the whitefly *Bemisia tabaci*. *Phytoparasitica* 31:490-498.

53. Rehman M, Chakraborty P, Tanti B, Mandal B, Ghosh A (2021) Occurrence of a new cryptic species of *Bemisia tabaci* (Hemiptera: Aleyrodidae): an updated record of cryptic diversity in India. *Phytoparasitica* 49: 869-882.
54. Sánchez-Campos S, Rodríguez-Negrete EA, Cruzado L, Grande-Pérez A, Bejarano ER, Navas-Castillo J, Moriones E (2016) Tomato yellow leaf curl virus: No evidence for the replication in the insect vector *Bemisia tabaci*. *Scientific Reports* 6:30942.
55. Shahbazi M, Behjatnia SAA, Alichy M (2013) Taxonomic Position of Iranian Isolates of *Eretmocerus mundus* (Merec), a Parasitoid of *Bemisia tabaci* (Gennadius). *Iran Agricultural Research* 32:11-17.
56. Shahbazi M, Behjatnia, SAA, Alichy M, Bananej K, Izadpanah K (2010) Identification of *Bemisia tabaci* biotypes in Iran based on ITS1 region of ribosomal DNA and DNA polymorphism. In: 19th Iranian Plant Protection Congress. Tehran. Iran. P 298.
57. Shahbazi M, Behjatnia SAA, Alichy M, Roumi V, Izadpanah K (2014) Biotypes of *Bemisia tabaci* from Fars Province. *Iranian Journal of Plant Protection Science* 45:201-211
58. Simmons AM, Ling KSH, Harrison HF, Jackson DM (2009) Sweet potato leaf curl virus: Efficiency of acquisition, retention and transmission by *Bemisia tabaci* (Hemiptera: Aleyrodidae). *Crop Protection* 28: 1007–1011.
59. Skaljic M, Ghanim M (2010) Tomato yellow leaf curl disease and plant–virus vector interactions. *Israel Journal of Plant Sciences* 58:103–111.
60. Stafford CA, Walker GP, Ullman DE (2011) Infection with a plant virus modifies vector feeding behavior. *PNAS* 108:9350-9355.
61. Turina M, Ricker MD, Lenzi R, Masenga V, Ciuffo M (2007) A Severe disease of tomato in the Culiacan Area (Sinaloa, Mexico) is caused by a new Picorna-Like viral species. *Plant Disease* 9:932-941.
62. Upadhyay SK, Chandrashkar K, Thakur N, Verma PC, Borgio JF, Singh PK, Tuli R (2011) RNA interference for the control of whiteflies (*Bemisia tabaci*) by oral route. *Journal of Biosciences* 36: 153–161.
63. Verbeek M, Dulleman AM, van den Heuvel JFJM, Maris PC, van der Vlugt RAA (2007) Tomato marchitez virus, a new plant picorna-like virus from tomato related to tomato torrado virus. *Archives of Virology* 153:127-134.
64. Wintermantel WM (2010) Transmission efficiency and epidemiology of Criniviruses. Pp.319-331. In: PA Stansly, SE Naranjo (ed.). *Bemisia: Bionomics and Management of a Global Pest*. Springer Science.
65. Wisler GC, Duffus JE, Liu HY, Li RH (1998) Ecology and epidemiology of whitefly-transmitted closteroviruses. *Plant Disease* 82:270-280.
66. Zandi-Sohani N, Shishehbor P, Kocheili F (2009) Parasitism of cotton whitefly, *Bemisia tabaci* on cucumber by *Eretmocerus mundus*: Bionomics in relation to temperature. *Crop Protection* 28: 963–967.

67. Ziegler-Graff V, Brault V (2007) Role of vector-transmission proteins. Pp.81-95. In: GD Foster, IE Johansen, Y Hong, PD Nagy (ed.). *Viral Sequence to Protein Function*. Humana Press, Totowa, NJ.